

货号	名称	规格	存储
F1522-12T	生物素 RNA Pull-Down 试剂盒 (微生物)	12T	-20°C
F1522-24T	生物素 RNA Pull-Down 试剂盒 (微生物)	24T	-20°C
F1522-40T	生物素 RNA Pull-Down 试剂盒 (微生物)	40T	-20°C

### 产品简介

RNA pull-down是检测目标RNA与其结合蛋白或结合RNA之间相互作用的主要方法之一。生物素RNA Pull-Down试剂盒利用链霉亲和素磁珠与生物素之间的强亲和力，高效调取目标RNA及其结合蛋白或结合RNA。

首先制备生物素标记的RNA探针，与样本裂解液孵育，RNA探针与样本中的某些蛋白质或RNA结合形成复合体；链霉亲和素磁珠特异性捕获生物素标记的RNA探针，同时捕获其结合蛋白或结合RNA；之后可以采用Western Blot、质谱 (LC-MS/MS) 方法检测结合蛋白，或者采用 qPCR、测序 (seq) 方法检测结合RNA。

### 试剂盒成分

编号	名称	12T 规格	24T 规格	40T 规格	储存条件
①	磁珠	500 μL	1 mL	1.7 mL	4°C, 1 年
②	裂解缓冲液	7mL	14mL	22 mL	4°C, 1 年
③	NT2 缓冲液	15mL	30mL	50mL	4°C, 1 年
④	RNA 结构缓冲液	650 μL	1.3mL	2.2mL	4°C, 1 年
⑤	漂洗液	32mL	64 mL	105mL	4°C, 1 年
⑥	洗脱缓冲液	650 μL	1.3mL	2.2mL	-20°C, 1 年
⑦	蛋白酶抑制剂	230 μL	460 μL	760 μL	-20°C, 1 年
⑧	RNase 抑制剂	65 μL	130 μL	220 μL	-20°C, 1 年
⑨	10mL 离心管	1 个	1 个	1 个	——

**\*注意：**该试剂盒包含足够完成 12、24 或 40 个反应的试剂，每个反应使用 40 μL 磁珠。由于每次 pull-down 实验至少需要设置一个实验组和一个阴性对照组，因此一次实验至少需要使用 2 个反应的试剂量。

### 额外所需材料

- 自备材料：生物素标记的 RNA 探针或制备探针所需的材料【T7 体外转录试剂盒、DNA 凝胶回收试剂盒、生物素 RNA 标记混合物 (Biotin RNA labeling Mix)、RNA 纯化试剂盒 (RNeasy Mini Kit)】，微量 RNA 提取试剂盒或提取 RNA 所需的材料【Trizol、氯仿、异丙醇、75%乙醇、RNase-free 水】，PBS。
- 所需仪器：磁力架、混匀仪、低温离心机、超声波破碎仪。

### 使用说明

#### I 注意事项

- 请勿干燥或剧烈涡旋磁珠，禁止长时间置于磁场，这些操作可能会引起磁珠聚团，降低结合活性。
- 为保证磁珠均匀分布，请在使用前通过反复颠倒、轻微涡旋彻底混匀磁珠。
- 请务必使用无 RNase 的离心管、枪头等实验材料。**
- 具体样品量和孵育时间依赖于每个特定体系，可能需要优化才能得到最大产量。
- 为了您的安全和健康，请穿实验服并戴一次性手套操作。

#### II 实验前准备工作

##### RNA 探针制备

(1) 根据目标 RNA 序列设计带有 T7 启动子 (TAATACGACTCACTATAGGG) 和 F2 标签序列 (GGCGCTGACAAAGCGCC) 的引物, 以目标序列的 DNA 质粒为模板, PCR 分别获得 T7-正义 RNA-F2 (实验组) 和 T7-反义 RNA-F2 (对照组) 转录模板, 按照 DNA 凝胶回收试剂盒说明书回收目标 DNA;

引物名称	引物序列
正义链-正引物 (带 T7 启动子)	5' - TAATACGACTCACTATAGGG+目标 RNA 头部序列-3'
正义链-反引物	5' - 目标 RNA 尾部序列的反向互作序列 -3'
反义链-正引物	5' - 目标 RNA 头部序列 -3'
反义链-反引物 (带 T7 启动子)	5' - TAATACGACTCACTATAGGG+目标 RNA 尾部序列的反向互作序列 -3'

(2) 以上述 DNA 为模板, 按照自备的 RNA 体外转录试剂盒说明书配置反应体系, 以下为示例 (该体系和步骤可能因转录试剂盒的不同而有所差别, 请务必根据试剂盒说明书操作) :

组分	用量
DNA 模板	0.5 $\mu$ g
10*Reaction Buffer	2 $\mu$ L
10*Biotin RNA labeling Mix	2 $\mu$ L
T7 RNA Polymerase Enzyme Mix	2 $\mu$ L
RNase-free H <sub>2</sub> O	Up to 20 $\mu$ L

37°C 孵育 2h, 再加入 1  $\mu$  L DNase I, 37°C 孵育 15 min 将 DNA 模板消化, 得到正义和反义 RNA;

(3) 为了避免转录产物中的游离生物素 UTP 竞争结合磁珠, 此处最好采用 RNA 纯化试剂盒来处理转录产物, 但此操作可能造成一定的产物损失, 可以根据具体情况决定是否进行此步操作;

(4) 取 2  $\mu$  L RNA 检测浓度, 取 1~2  $\mu$  L RNA 进行 2% 琼脂糖凝胶电泳检测 RNA 质量和长度; 符合要求的 RNA 置于 -80°C 保存或直接用于后续实验。

**\* 注意:**

- 由于 RNA 容易降解, 最好在 RNA pull-down 实验当天或前一天进行体外转录实验。
- 当目标序列过短 (<300bp) 或过长 (>4kb) 时, 探针制备难度将增加; 长序列可以分段进行实验。

### III 操作方法

#### 1. 样本裂解

(1) 将两组样本 (实验组+对照组) 按照如下方法收集和处理:

样本类型	样本量	收集方法
革兰氏阴性细菌	100 $\mu$ L 菌体沉淀	冷 PBS (RNase-free) 漂洗 2~3 次, 每次 4 °C 5000 g 离心 5 min 收集沉淀, 尽量吸干液体
小型真菌	200~400 mg	RNase-free 水清洗干净, 用手术剪刀将样本尽可能剪碎, 用液氮在研钵中充分研磨, 再转移粉末至预冷的、新的无 RNase 离心管中

(2) 将样本管置于冰上, 加入 1 mL 预冷的②裂解缓冲液、10  $\mu$  L ⑦蛋白酶抑制剂 (按 1% 添加) 和 5  $\mu$  L ⑧RNA 酶抑制剂 (按 0.5% 添加), 吹打混匀;

(3) 冰上超声破碎至溶液基本澄清;

(4) 4°C 12000g 离心 15 min, 收集上清至新的无 RNase 离心管中; 取 30  $\mu$ L 作为 input, 剩余上清分为两份用于 RNA pull-down 实验 (记为实验组和对照组), 置于冰上备用或-80°C 保存。

\* 注意: i. 当样本不能完全裂解时 (溶液很浑浊), 可以增加裂解缓冲液或改善超声条件继续裂解。超声条件因样本类型和超声设备而异, 应提前摸索好合适的条件。

ii. 如果样本中目标蛋白或 RNA 丰度较低, 或结合物间的结合较弱, 可以增加初始样本量, 同时等比例增加裂解缓冲液和酶抑制剂的用量, 但总孵育体积最大不超过离心管体积的 2/3, 体积过大可以更换大规格离心管。

## 2. 磁珠准备

- (1) 将①磁珠上下颠倒混匀, 取实验组和对照组一共所需的 80  $\mu$ L 磁珠到新的无 RNase 离心管中;
- (2) 加入 1 mL ③NT2 缓冲液, 颠倒混匀 30 次, 放磁力架上静置 1 min 并弃上清;
- (3) 重复上步操作一次;
- (4) 加入 400  $\mu$ L ③NT2 缓冲液, 上下颠倒重悬磁珠;
- (5) 将磁珠平分为两份, 每组各约 200  $\mu$ L, 转移到新的无 RNase 离心管中, 记为实验组和对照组;

## 3. 漂洗液准备

为了防止实验过程中的蛋白和 RNA 降解, 需要向漂洗液中添加蛋白酶抑制剂和 RNase 抑制剂。取出⑨10 mL 离心管, 加入实验组和对照组总共所需的 5 mL ⑤漂洗液、25  $\mu$ L ⑦蛋白酶抑制剂 (按 0.5%添加) 和 2.5  $\mu$ L ⑧ RNase 抑制剂 (按 0.05%添加), 混合均匀, 冰上保存, 现配现用。如果有多组样本, 请按照实际使用量配置。

## 4. RNA pull-down

- (1) 取 3  $\mu$ g RNA 探针, 95°C 变性 3 min, 冰浴 1 min, 短暂离心甩下管壁液体, 向管中加入 50  $\mu$ L ④RNA 结构缓冲液和 1  $\mu$ L ⑧RNase 抑制剂, 室温放置 30 min;
- (2) 将实验组和对照组 RNA 探针分别加入对应的磁珠 (步骤 2 制备) 中, 混匀仪上室温孵育 30 min;
- (3) 放磁力架上静置 1 min 并弃上清;
- (4) 每组加入 500  $\mu$ L 漂洗液 (步骤 3 准备), 颠倒混匀 30 次, 放磁力架上静置 1 min 并弃上清;
- (5) 重复上步操作一次;
- (6) 加入相应组别的样本裂解液 (步骤 1 制备), 混匀仪上 4 °C 孵育 2~4 h;
- (7) 放磁力架上静置 1 min 并弃上清;
- (8) 每组加入 500  $\mu$ L 漂洗液 (步骤 3 准备), 颠倒混匀 30 次, 放磁力架上静置 1 min 并弃上清;
- (9) 重复上步漂洗操作两次, 共漂洗三次, 保留磁珠。

## 5. 蛋白洗脱 (选做)

如果需要对 pull down 产物进行蛋白检测, 可以在以下方案中选择合适的洗脱方法。

(1) 非变性洗脱法: 向磁珠中加入 50  $\mu$ L ⑥洗脱缓冲液, 涡旋震荡 20 s, 混匀仪上室温洗脱 10~15 min; 涡旋震荡 20s, 1000g 离心 20s; 放磁力架上静置 1 min, 收集上清至新的离心管中, -80°C 保存。该洗脱产物保持原有的生物活性, 适用于后期各种检测, 例如质谱、SDS-PAGE 或 Western-blot 等。

(2) SDS-PAGE 上样缓冲液洗脱法 (变性洗脱法): 向磁珠中加入 50  $\mu$ L 1×SDS-PAGE 上样缓冲液, 95 °C 加热 5 min; 磁力架上静置 1 min, 收集上清至新的离心管中。该洗脱产物适用于 SDS-PAGE 或 Western Blot 检测; 如果需要进行质谱检测, 则切胶条后送检。

\* 注意: i. 本试剂盒提供的洗脱缓冲液可以兼容质谱。

ii. 如果选择非变性洗脱法, 可以暂时保留洗脱后的磁珠, 当非变性洗脱效率较低时, 则采用 SDS-PAGE 上样缓冲液洗脱法继续洗脱蛋白。

iii. RNA pull-down 捕获的蛋白量通常较少, 因此 SDS-PAGE 建议用硝酸银染色, 染色步骤参考如下:

(为了便于称量, 每步配置的溶液体积较大, 实际操作时取适量溶液浸泡胶即可)

- (1) 固定: 30 min (乙醇: 乙酸: 水=4: 1: 5 体积比);

- (2) 敏化: 30 min (乙酸钠 10.2 g, 硫代硫酸钠 0.471 g, 乙醇 45 mL, 加水至 150 mL) ;
- (3) 水洗: 4 次, 每次 10 min;
- (4) 银染: 30 min (硝酸银 0.375 g, 加水至 150 mL) ;
- (5) 水洗: 2 次, 每次 40 s;
- (6) 显色: 显影至条带清楚 (碳酸钠 3.75 g, 60 μL 甲醛, 加水至 150 mL) ;
- (7) 终止: 5 min (Na<sub>2</sub> EDTA 2.19 g, 加水至 150 mL) 。

## 6. RNA 提取纯化 (选做)

如果需要对 pull down 产物进行 RNA 检测, 请购买微量 RNA 提取试剂盒或按照以下步骤提取 RNA。

- (1) 向磁珠中加入 1 mL Trizol, 室温静置 5 min, 4°C 12000 g 离心 10 min, 取上清;
- (2) 加入 0.2 mL 氯仿, 涡旋混匀或猛烈晃动 15 s, 室温放置 2~3 min;
- (3) 4°C 12000g 离心 15 min, 吸取水相至新的无 RNase 离心管中 (约可吸取 0.5~0.55 mL) ;
- (4) 加入 0.5 mL 异丙醇, 颠倒数次混匀, 室温下沉淀 10 min 或 -20°C 沉淀过夜;
- (5) 4°C 12000g 离心 10 min, 管底可见 RNA 沉淀, 弃上清;
- (6) 加入 1 mL 75% 乙醇 (DEPC 水或 RNase-free 水配制) ;
- (7) 4°C 12000g 离心 10 min, 弃上清; 5000g 快速离心 1s, 小心吸尽液体;
- (8) 待 RNA 略干后, 加入 20 μL DEPC 水或 RNase-free 水或溶解, -80°C 保存或直接进行反转录。

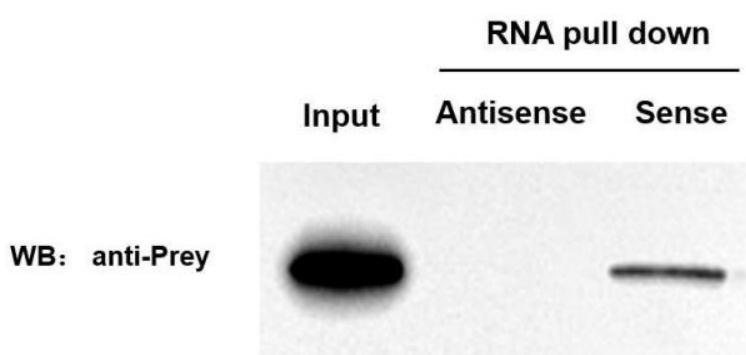
\* 注意: i. Pull down 后的 RNA 一般较微量, 操作时注意勿把 RNA 沉淀吸走;

ii. 切勿让 RNA 过分干燥, 否则将极难溶解, 且测出的 A260/280 值会低于 1.6。

## 使用案例

实验目标: 检测目标 RNA 与待测蛋白 (Prey) 是否存在相互作用。

- (1) Input: 样本裂解液;
- (2) Antisense: 目标 RNA 反义链探针的 pull-down 产物 (对照组) ;
- (3) Sense: 目标 RNA 正义链探针的 pull-down 产物 (实验组) 。



待测蛋白的 RNA pull-down WB 检测图